



### Determining the Potential Ecological Niche of *Festuca ovina* L. using Genetic Algorithm (GARP) and DOMAIN Models in Rangelands of Isfahan Province

Azadeh Bazrmanesh<sup>\*1</sup>, Mostafa Tarkesh Esfahani<sup>2</sup>, Hossein Bashari<sup>2</sup>, Saeid Pourmanafi<sup>3</sup> and Mohadeseh Amiri<sup>4</sup>

1. Corresponding author; PhD. Student of Rangeland Science, Department of Range and Watershed Management, Faculty of Natural Resources, Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran. E-mail: a.bazrmanesh2019@na.iut.ac.ir
2. Associate Prof., Department of Range and Watershed Management, Faculty of Natural Resources, Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran.
3. Associate Prof., Department of Environment, Faculty of Natural Resources, Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran.
4. Assistant Prof., Department of Range and Watershed Management, Faculty of Agriculture and Natural Resources, University of Mohaghegh Ardabili, Ardabil, Iran.

Article Info	Abstract
<b>Article type:</b> Research Full Paper	<b>Background and objectives:</b> Understanding the spatial distribution of plants, a crucial aspect of plant ecology, plays a significant role in describing the sustainability of rangeland ecosystems and designing appropriate management programs. A wide range of environmental factors, from atmospheric to land surface characteristics, influence species distribution ranges at local to global scales. Among these factors, bioclimatic variables are indispensable in species distribution modeling. This study used two modeling techniques, Genetic Algorithm for Rule Set Production (GARP) and DOMAIN, to model the potential ecological niche of sheep's fescue ( <i>Festuca ovina</i> L.) in the rangelands of Isfahan Province.
<b>2025; Vol 18, Issue 4</b>	<b>Methodology:</b> The occurrence data of the studied species were collected using a stratified-random method. Twenty-two environmental layers, including three physiographic variables and 19 climatic variables derived from precipitation and temperature, were used in the modeling process. These variables were converted to a pixel size of one square kilometer in the ArcMap 10.3 software and then entered into the modeling process as digital maps. The genetic algorithm model was implemented in Open Modeler 1.1.0 software, and the domain model was implemented in DOMAIN 32 software. To select environmental variables, the Pearson correlation test was performed. One variable was selected, and the other was removed from pairs of variables with a correlation of more than 0.8. In the domain model, habitat suitability was predicted based on Gower's dissimilarity metric. To validate and evaluate the potential habitat maps obtained from the two models, confusion matrices and statistical indices derived from them, such as AUC (the area under the ROC curve), Kappa coefficient, and overall accuracy (CCR), were used. In the sensitivity analysis, environmental variables that had the largest drop in model performance were selected as the most important environmental variables.
<b>Article history:</b> Received: 12.11.2023 Revised: 14.01.2025 Accepted: 19.01.2025	<b>Results:</b> The sensitivity analysis showed that the most effective environmental variables in the distribution of the species were height above sea level, precipitation of the warmest quarter, mean diurnal range, isothermality, annual precipitation, annual mean temperature, slope, and temperature annual range. The genetic
<b>Keywords:</b> Species Occurrence, Profile Model, Gower's Dissimilarity Index, Cool Season Grasses.	

---

algorithm ( $AUC = 0.99$ ) performed better than DOMAIN ( $AUC = 0.67$ ). In the study of the geographical range of the species under the models, it was predicted that favorable habitats (occurrence probability greater than 75%) in GARP and DOMAIN models occupy about 7069 and 10187 square kilometers of the province, respectively. The results of GARP and DOMAIN models also indicated that the main habitat of *F. ovina* is in Fereydunshahr and Semiroom counties.

**Conclusion:** Certain areas of Fereydunshahr and Semiroom counties, which encompass summer rangelands of the province, along with the heights of Karkas and Muteh as the cold steppe rangelands of the province, have a high potential for the presence of *F. ovina*. The impact of climate change, combined with excessive grazing, can gradually reduce and eliminate this palatable species, replacing it with other species. The findings of this study can be applied to determine areas prone to seeding and pit-seeding projects using this species. It is suggested that biological and management activities, such as land use change, grazing intensity, and inter-species competition, be included in the modeling process to enhance the prediction of favorable species habitats.

---

**Cite this article:** Bazrmanesh, A., M. Tarkesh Esfahani, H. Bashari, S. Pourmanafi and M. Amiri, 2025. Determining the Potential Ecological Niche of *Festuca ovina* L. using Genetic Algorithm (GARP) and DOMAIN Models in Rangelands of Isfahan Province. Journal of Rangeland, 18(4): 505-519.



© The Author(s).

Publisher: Iranian Society for Range Management

DOR: 20.1001.1.20080891.1403.18.4.2.4

## مرتع

### تعیین آشیان اکولوژیک بالقوه علف بره (*Festuca ovina* L.) با مدل‌های الگوریتم ژنتیک (GARP) و قلمرو (DOMAIN) در مراعع استان اصفهان

آزاده بذرمنش<sup>۱</sup>، مصطفی ترکش اصفهانی<sup>۲</sup>، حسین بشری<sup>۳</sup>، سعید پورمنافی<sup>۳</sup> و محمدثه امیری<sup>۴</sup>

۱. نویسنده مسئول، دانشجوی دکتری علوم مرتع، گروه مرتع و آبخیزداری، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه صنعتی اصفهان، اصفهان، ایران. رایان‌نامه: azade.bazrmanesh2019 @na.iut.ac.i
۲. دانشیار گروه مرتع و آبخیزداری، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه صنعتی اصفهان، اصفهان، ایران.
۳. دانشیار گروه محیط زیست، دانشکده منابع طبیعی، دانشگاه صنعتی اصفهان، اصفهان، ایران.
۴. استادیار گروه مرتع و آبخیزداری، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی، اردبیل، ایران.

اطلاعات مقاله	چکیده
نوع مقاله: مقاله کامل – پژوهشی	سابقه و هدف: آگاهی از پراکنش مکانی گیاهان به عنوان یکی از مهم‌ترین جنبه‌های اکولوژی گیاهی، نقش برجسته‌ای در تشریح پایداری اکوسیستم مرتع و طراحی برنامه‌های مناسب مدیریتی دارد. طیف وسیعی از عوامل محیطی از ویژگی‌های جوی گرفته تا خصوصیات سطح زمین، زیربنای دامنه پراکنش گونه‌ها در مقیاس‌های محلی تا جهانی طی دو دهه گذشته می‌باشند. از میان این عوامل، متغیرهای زیست اقلیمی به عنوان یک نوع داده ضروری در مدلسازی پراکنش گونه‌ها در نظر گرفته می‌شوند. این مطالعه جهت مدلسازی آشیان اکولوژیک بالقوه گونه علف بره ( <i>Festuca ovina</i> L.) در مراعع استان اصفهان با استفاده از دو روش مدلسازی الگوریتم ژنتیک (GARP) و قلمرو (DOMAIN) انجام شد.
تاریخ دریافت: ۱۴۰۲/۰۸/۲۱ تاریخ ویرایش: ۱۴۰۳/۱۰/۲۵ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۳/۱۰/۳۰	مواد و روش‌ها: داده‌های رخداد گونه مورد مطالعه به روش تصادفی - طبقه‌بندی شده جمع‌آوری شدن و ۲۲ لایه محیطی شامل سه متغیر فیزیوگرافی و ۱۹ متغیر اقلیمی مشتق شده از بارندگی و درجه حرارت در فرآیند مدلسازی به کار رفته‌اند. این متغیرها در محیط نرم‌افزار ArcMap 10.3 به اندازه پیکسل یک کیلومتر مربعی تبدیل و سپس به صورت نقشه‌های رقومی وارد فرآیند مدلسازی شدن. مدل الگوریتم ژنتیک در نرم‌افزار Open Modeler 1.1.0 و مدل قلمرو در نرم‌افزار 32 DOMAIN اجرا شد. به منظور انتخاب متغیرهای محیطی با اجرای آزمون همبستگی پیرسون، از بین جفت متغیرهای با همبستگی بیش از ۰/۸، یک متغیر انتخاب و دیگری حذف گردید. در مدل قلمرو، پیش‌بینی تناسب رویشگاه بر اساس شاخص عدم تشابه یا فاصله اکولوژیک گاور (Gower Metric) انجام گرفت. به منظور اعتبارسنجی و ارزیابی نقشه‌های رویشگاه بالقوه حاصل از دو مدل، از ماتریس خط و شاخص‌های آماری مشتق شده از آن همچون AUC (سطح زیر منحنی پلات ROC)، ضریب کاپا (Kappa) و صحت کلی (CCR) استفاده شد. در تحلیل حساسیت، آن دسته از متغیرهای محیطی که بیشترین افت را در عملکرد مدل (AUC) داشتند، به عنوان با اهمیت‌ترین متغیرهای محیطی انتخاب شدند. نتایج: تحلیل حساسیت نشان داد که بهترتیب متغیرهای ارتفاع از سطح دریا، بارندگی گرمترین فصل، میانگین دمای روزانه، ایزوترمالیتی، بارندگی سالانه، دمای متوسط سالانه، شبیب، و دامنه تغییرات سالانه دما مؤثرترین متغیرهای محیطی در پراکنش گونه بودند. الگوریتم ژنتیک (AUC=۰/۹۹) نسبت به مدل قلمرو (AUC=۰/۶۷) از عملکرد مناسب‌تری برخوردار بود. در بررسی گستره جغرافیایی گونه تحت مدل‌ها پیش‌بینی شد که رویشگاه‌های مطلوب (احتمال رخداد
واژه‌های کلیدی: رخداد گونه‌ای، مدل پروفیل، شاخص عدم تشابه Gower، گراس‌های فصل سرد	

بالاتر از ۷۵ درصد) در مدل الگوریتم ژنتیک و مدل قلمرو به ترتیب حدود ۷۰۶۹ و ۱۰۱۸۷ کیلومترمربع از سطح استان را به خود اختصاص داده‌اند. نتایج مدل‌های الگوریتم ژنتیک و قلمرو همچنین نشان داد که رویشگاه عمدۀ گونه علف بره در شهرستان‌های فردیوشهر و سمیرم است.

**نتیجه‌گیری:** مناطقی از شهرستان‌های فردیوشهر و سمیرم که مراعع بیلاقی استان را شامل می‌شوند به همراه ارتفاعات کرکس و موته که جزو مراعع استیپی سرد استان می‌باشند، پتانسیل بالابی جهت حضور گونه *F. ovina* دارند. تأثیر تغییر اقلیم به همراه چرای بی‌رویه از این گونه که جزو گونه‌های خوشخوارک است، می‌تواند بتدریج باعث کاهش و حذف این گونه و جایگزینی آن با سایر گونه‌ها شود. از یافته‌های این مطالعه می‌توان چهت تعیین مناطق مستعد پروژه‌های بذرکاری و کپه‌کاری با استفاده از این گونه استفاده نمود. پیشنهاد می‌شود که فعالیت‌های زیستی و مدیریتی همچون تغییر کاربری، شدت چرای دام، و رقابت بین گونه‌ای در فرایند مدل‌سازی مورد استفاده قرار گیرند تا باعث بهبود پیش‌بینی زیستگاه‌های مطلوب گونه گردد.

استناد: بذرمنش، آ.، م. ترکش اصفهانی، ح. بشری، س. پورمنافی و م. امیری، ۱۴۰۳. تعیین آشیان اکولوژیک بالقوه علف بره (*Festuca ovina* L.) با مدل‌های الگوریتم ژنتیک (GARP) و قلمرو (DOMAIN) در مراعع استان اصفهان. مرتع، ۱۸(۳): ۵۰۵-۵۱۹.



DOR: 20.1001.1.20080891.1403.18.4.2.4

© نویسنده‌گان

ناشر: انجمن علمی مرتعداری ایران

## مقدمه

اکوسیستم‌های مرتضی نسبت به تغییرات عوامل محیطی بسیار حساس هستند. خصوصیات فیزیوگرافی، تغییرات دما و رژیم بارندگی و تغییر در تکرار و مقادیر حدّهای نهایی و قایع اقلیمی می‌توانند به طور اساسی ترکیب، توزیع گونه‌های گیاهی و نیز تولید آنها را تغییر دهند (۱۹). مطالعات نشان داده‌اند که تغییرات اقلیمی نقش مهمی در تغییر و حتی انقراض محلی برخی گونه‌ها داشته است (۴۲). برای جلوگیری از سیر قهقرایی مرتع، نیاز به ارائه راهکارهای مناسب در زمینه احیاء و اصلاح مرتع نظری کاشت گیاهان مرغوب است که در موقوفیت این گونه برنامه‌ها، انتخاب مناطق مناسب (رویشگاه بالقوه) در مرجع برای پروژه‌های بذرکاری، کپه‌کاری و بذرپاشی حائز اهمیت است (۱۶). هر موجود زنده‌ای برای تأمین احتیاجات خود جهت ادامه حیات در یک منطقه به مجموعه‌ای از شرایط خاص محیطی نیاز دارد (۱۲). عوامل اقلیمی و توپوگرافی، عمدۀ متغیرهای مؤثر بر پراکنش گیاهان در مقیاس وسیع به شمار می‌روند. شناخت نحوه پاسخ گونه‌ها به این متغیرها جهت آزمون فرضیات اکولوژیک، اصلاح روش‌های تحلیل جوامع گیاهی، تعیین گونه‌های شاخص در ارزیابی‌های محیطی، تخمین پراکنش قلمرو جغرافیایی و اکولوژی گونه‌ها و بررسی تأثیر عوامل محیطی و تغییرات اقلیمی بر خصوصیات گونه‌های گیاهی مفید است (۳۹). چگونگی عکس‌العمل گونه‌ها نسبت به شرایط محیطی، هسته مطالعات مدل‌سازی پراکنش گونه‌ای است که امروزه با پیشرفت تکنیک‌های جدید آماری و سیستم اطلاعات جغرافیایی، انجام مطالعات پراکنش گونه‌ای تسهیل شده است. روش‌ها و مدل‌های پیش‌بینی پراکنش گونه‌ای، تناسب رویشگاه را برای استقرار گونه‌های گیاهی مشخص می‌کنند (۳). الگوریتم‌های زیادی در مدل‌سازی پراکنش گونه‌ای به کار می‌روند که آنها را می‌توان به دو دسته Group Discrimination (Models) و مدل‌های پروفیل (Profile Models) تقسیم نمود. جهت اجرای مدل‌های پروفیل نظری مدل حدّاً کثیر آنتروپی (MaxEnt: Maximum Entropy) به داده‌های رخداد گونه و در مدل‌های متمایز‌کننده گروهی نظری روش رگرسیون لجستیک به داده‌های رخداد و عدم رخداد گونه

نیاز است (۲۱). از انواع مدل‌های پروفیل می‌توان به قلمرو (DOMAIN)، حدّاً کثیر آنتروپی، فاصله BIOCLIM ماهالانوبیس (Mahalanobis Distance)، الگوریتم ژنتیک GARP: Genetic Algorithm for Rule-based ENFA: Ecological Niche Factor Analysis (Prediction) و تحلیل عاملی آشیان اکولوژیک (Ecological Niche Factor Analysis) اشاره کرد (۴۰).

تاكنوون در مطالعات مختلفی، مدل‌های پروفیل برای تولید نقشه مطلوبیت زیستگاه گونه‌های گیاهی از طریق مرتبط نمودن داده‌های رخداد میدانی با داده‌های توپوگرافی، اقلیمی و پوشش زمین به کار رفته‌اند. از جمله این پژوهش‌ها می‌توان به مطالعه سکیب و همکاران (۲۰۰۶)، ترکش و یتشکه (۲۰۱۲)، قهساره اردستانی و همکاران (۲۰۱۴)، هو و همکاران (۲۰۲۱)، منگ و همکاران (۲۰۲۱)، فراشی و همکاران (۲۰۲۱) و شاهناصری و همکاران (۲۰۲۳) اشاره کرد.

علف بره (*Festuca ovina*) از جمله گونه‌های با فرم رویشی گراس بوده و دارای ارزش علوفه‌ای مناسبی است که با توجه به سطح یقه قابل ملاحظه در حفاظت خاک نیز نقش مهمی دارد. پژوهش غفاری و همکاران (۲۰۱۶) با مطالعه‌ی گستره رویشگاه این گونه با روش حدّاً کثیر آنتروپی در گرادیان ارتفاعی مرتع مغان-سبلان استان اردبیل، متغیرهای ارتفاع، شیب، تغییرات اندازه ضرب لکه، میزان پتانسیم در عمق ۱۵-۳۰ و مقدار آهک در عمق ۰-۱۵ سانتی‌متری را به عنوان متغیرهایی که بیشترین سهم را در پیش‌بینی حضور گونه علف بره ایفا می‌کنند معرفی کرد. در همان سال میزانی موسی‌وند و همکاران بیشترین میزان حضور این گونه را در شهرستان دلفان واقع در استان لرستان در ارتفاع ۲۶۰۰ متر، شیب بالای ۴۰ درصد، جهات گزارش دادند. در پژوهشی که توسط اسفنجانی و همکاران (۲۰۱۷) انجام شد، زیستگاه این گونه در مرتع چهارباغ استان گلستان با استفاده از روش تحلیل آشیان بوم‌شناختی (ENFA) مدل‌سازی گردید. نتایج این مطالعه نشان داد که مهم‌ترین عوامل محیطی مؤثر بر پراکنش گونه علف بره، شامل میزان شن و ارتفاع از سطح دریا می‌باشند. از آنجایی که تاكنوون مطالعه‌ای پیرامون پیش‌بینی پراکنش علف بره در استان اصفهان صورت نگرفته است، در مطالعه

### معرفی گونه مورد مطالعه

گونه علف بره (Festuca ovina) گراسی چندساله و متراکم است. برگ‌های قاعده‌ای متعدد آن باریک، پیچ‌خورده، سفت، نیمه‌ایستاده و کوتاه، ۲۰–۱۰ سانتی‌متر و کمتر از نیمی از طول انتهایی آن است. این گونه کوتاه، با ارتفاعی حدود ۳۰ سانتی‌متر، دارای ساقه‌های ظریف، سفت و نیمه برآمده متعدد هستند. برگ‌ها صاف و بدون کرک، گل‌آذین پانیکول زبر و پهنک برگ خطی است (۱۸). علف بره گونه فصل سرد و بومی اروپاست. این گونه در مناطقی با بارندگی ۳۰۰ میلی‌متر یا بیشتر سازگاری بالایی دارد و مقاوم به سرما بوده و تحمل خوبی به خشکی و سایه دارد. این گونه در خاک‌های شور ضعیف تا قلیابی و اسیدی هم می‌تواند رشد کند و نسبت به سطح بالای آب زیرزمینی حساس است. به دلیل سیستم ریشه‌ای متراکم برای تثبیت خاک‌های در معرض فرسایش مناسب است. تحمل خوب این گیاه به خشکی همراه با سیستم ریشه‌ای قوی از نوع دسته‌ای و سازگاری با خاک‌های مختلف، آن را برای احیا در مناطقی با بارش سالانه ۳۰۰ تا ۶۰۰ میلی‌متر، ایده‌آل می‌سازد (۳۰).

#### برداشت میدانی

به منظور رعایت یکنواختی در نمونه‌برداری، از روش تصادفی-طبقه‌بندی شده استفاده شد. در این روش پس از شناسایی رویشگاه‌های گونه *F. ovina* در منطقه، منطقه مطالعاتی با توجه به خصوصیات فیزیوگرافی (پارامترهای ارتفاع، میزان شبی و جهت شبی) به تعدادی مناطق همگن تقسیم شدند و سپس در هر منطقه همگن به صورت تصادفی اقدام به نمونه‌برداری گردید. در مجموع ۷۰ مکان رخداد ثبت شد (شکل ۱) که ۷۵ درصد این نقاط جهت آموزش مدل‌ها (۵۲ نقطه) و ۲۵ درصد باقیمانده (۱۸ نقطه) جهت ارزیابی مدل‌ها به کار رفتند.

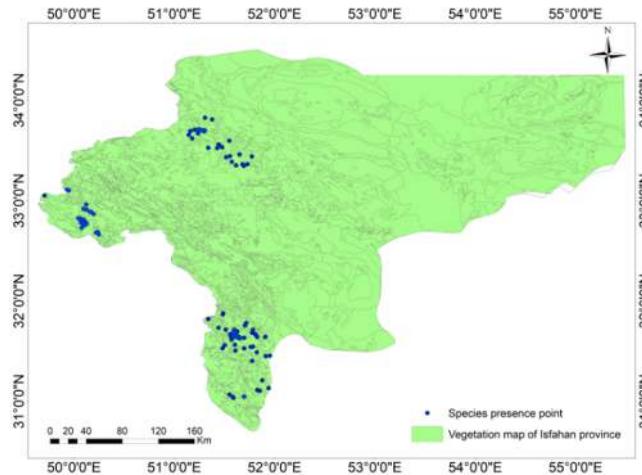
حاضر سعی گردید با استفاده از مدل‌های الگوریتم ژنتیک و قلمرو به بررسی مطلوبیت زیستگاه این گونه گیاهی پرداخته شود. با توجه به مزیت نسبی مدل‌های مذکور که جزو مدل‌های پروفیل بوده و دارای مزیتی همچون اجتناب از اربیبی داده‌های عدم حضور هستند (۲۷)، این مطالعه با اهداف بررسی آشیان اکولوژیک بالقوه گونه علف بره، شناسایی مهم‌ترین عوامل محیطی مؤثر بر پراکنش گونه و مقایسه عملکرد دو مدل پروفیل قلمرو و الگوریتم ژنتیک در مدلسازی پراکنش آن انجام شد.

### مواد و روش‌ها

#### منطقه مورد مطالعه

منطقه مطالعاتی استان اصفهان با مساحت ۱۰۷۰۴۵ کیلومترمربع و مختصات جغرافیایی  $30^{\circ} 30' \text{ تا } 34^{\circ} 49'$  طول شرقی است که در بخش مرکزی ایران واقع شده است. این استان دارای آب و هوای بیابانی است و وجود رشته‌کوه‌های زاگرس در قسمت غربی آن مانع از نفوذ رطوبت به نواحی مرکزی و شرق آن می‌شود. همچنین وجود نواحی پست و کویری شرق استان، آب و هوای بخش وسیعی از آن را تحت تأثیر خود قرار داده است. بارش سالانه استان از حدود ۱۰۰ میلی‌متر در شرق استان تا حدود ۴۵۰ میلی‌متر در غرب استان متغیر است و میانگین وزنی بارش سالانه استان  $152/5$  میلی‌متر گزارش شده است (۳۴). دامنه میانگین دمای حداکثر روزانه از ۳۵ درجه سانتی‌گراد در تابستان تا ۱۷ درجه سانتی‌گراد در زمستان متغیر است. دامنه میانگین دمای حداقل روزانه از ۱۵ درجه سانتی‌گراد در تابستان تا ۵ درجه سانتی‌گراد در زمستان تغییر می‌کند. میزان متوسط تبخیر و تعرق پتانسیل سالانه ۲۵۰۰ میلی‌متر است (۲۳).

## تعیین آشیان اکولوژیک بالقوه علف بره (*Festuca ovina* L.) با مدل‌های الگوریتم ژنتیک.../بذرمنش و همکاران



شکل ۱: نقاط رخداد گونه *Festuca ovina* مورد استفاده در فرآیند مدلسازی در استان اصفهان

پرسون (جدول ۲)، از بین جفت متغیرهای با همبستگی بیش از ۰/۸، یک متغیر انتخاب و دیگری حذف گردید (۲۴). البته، در انتخاب، اهمیت اکولوژیک متغیرها نیز لحاظ گردید. اگرچه بین متغیر ارتفاع و برخی از متغیرهای دمایی همچون (Bio5، Bio9، Bio8، Bio6) و (Bio10، Bio11) همبستگی وجود دارد ولی با توجه به اهمیت متغیر ارتفاعی از نظر اکولوژیک و تأثیر بر پراکنش گونه مورد نظر این متغیر به عنوان متغیر اثرگذار در فرآیند مدلسازی باقی ماند (۳۲).

### متغیرهای محیطی

به منظور مدلسازی، متغیرهای محیطی شامل ۱۹ متغیر اقلیمی تاریخی (۱۹۸۰-۲۰۰۰) استخراج شده از پایگاه اقلیم جهانی (www.worldclim.org) و سه متغیر فیزیوگرافی مشتق شده از مدل رقومی ارتفاع (DEM srtm) شامل ارتفاع از سطح دریا، شیب و جهت به کار رفند (90m) شامل ارتفاع از سطح دریا، شیب و جهت به کار رفند (جدول ۱). تمامی لایه‌های محیطی استفاده شده در مدل به مقیاس یک کیلومتری یکسان سازی شدند. به منظور انتخاب متغیرهای محیطی با اجرای آزمون همبستگی

جدول ۱: متغیرهای محیطی و فیزیوگرافی مورد استفاده در مطالعه

ردیف	متغیر محیطی	نام اختصاری	متغیر محیطی	ردیف	نام اختصاری	نام اختصاری	ردیف
۱	دماه متوسط سالانه	Bio1	درجه سانتی گراد	۱۲	بارش سالانه	Bio12	دماهی متوسط میانگین دمای تاریخی
۲	میانگین دمای روزانه	Bio2	درجه سانتی گراد	۱۳	بارش مرطوب ترین ماه	Bio13	دماهی میانگین دمای گرم‌ترین ماه
۳	هم‌دماهی	Bio3	-	۱۴	بارش خشک‌ترین ماه	Bio14	دماهی میانگین دمای سرد‌ترین ماه
۴	فضلی بودن دما	Bio4	درجه سانتی گراد	۱۵	فضلی بودن بارش	Bio15	دماهی میانگین دمای سردترین فصل
۵	حداکثر دماه گرم‌ترین ماه	Bio5	درجه سانتی گراد	۱۶	بارش مرطوب ترین فصل	Bio16	دماهی میانگین دمای گرم‌ترین فصل
۶	حداقل دماه سرد‌ترین ماه	Bio6	درجه سانتی گراد	۱۷	بارش خشک‌ترین فصل	Bio17	دماهی میانگین دمای سردترین فصل
۷	محدوده سالانه دما	Bio7	درجه سانتی گراد	۱۸	بارش گرم‌ترین فصل	Bio18	دماهی میانگین دمای گرم‌ترین فصل
۸	میانگین دمای مرطوب‌ترین فصل	Bio8	درجه سانتی گراد	۱۹	بارش سرد‌ترین فصل	Bio19	دماهی میانگین دمای خشک‌ترین فصل
۹	میانگین دمای گرم‌ترین فصل	Bio9	درجه سانتی گراد	۲۰	ارتفاع	Elevation	دماهی میانگین دمای گرم‌ترین فصل
۱۰	میانگین دمای گرم‌ترین فصل	Bio10	درجه سانتی گراد	۲۱	شیب	Slope	دماهی میانگین دمای سرد‌ترین فصل
۱۱	میانگین دمای سرد‌ترین فصل	Bio11	درجه سانتی گراد	۲۲	جهت	Aspect	دماهی میانگین دمای سردترین فصل

جدول ۲: ماتریس همبستگی متغیرهای زیست‌اقلیمی

Bio19	Bio18	Bio17	Bio16	Bio15	Bio14	Bio13	Bio12	Bio11	Bio10	Bio9	Bio8	Bio7	Bio6	Bio5	Bio4	Bio3	Bio2	Bio1	Altitude																		
																			Altitude																		
۱	-۰/۷۷۸																		Bio1																		
	۱	-۰/۵۵۷	-۰/۷۲۶																Bio2																		
		۱	-۰/۷۶	-۰/۳۳۵	-۰/۳۵۷														Bio3																		
			۱	-۰/۱۷۷	-۰/۵۴۸	-۰/۷۷۳	-۰/۳۱۹												Bio4																		
				۱	-۰/۶۶۳	-۰/۶۵	-۰/۷۸۷	-۰/۰۸۱	-۰/۹۶۰										Bio5																		
					۱	-۰/۹۶۸	-۰/۴۸۴	-۰/۵۲۱	-۰/۸۲۴	-۰/۹۴۸	-۰/۹۶۲								Bio6																		
						۱	-۰/۵۳۸	-۰/۳۰۸	-۰/۳۹۲	-۰/۱۲۷	-۰/۴۷۸	-۰/۰۶۷	-۰/۶۲۱						Bio7																		
							۱	-۰/۳۲۹	-۰/۹	-۰/۹۱۷	-۰/۵۹۸	-۰/۵۲۱	-۰/۶۸۱	-۰/۹۰۲	-۰/۸۶۸				Bio8																		
								۱	-۰/۹۱	-۰/۳۹۲	-۰/۹۸	-۰/۹۸۹	-۰/۶۱۵	-۰/۶۲۶	-۰/۸۱۹	-۰/۹۹	-۰/۹۷۲			Bio9																	
									۱	-۰/۹۹۲	-۰/۹۲۸	-۰/۳۵۵	-۰/۹۷۸	-۰/۹۹۷	-۰/۶۴	-۰/۶۳۴	-۰/۸۰۲	-۰/۹۶۸	-۰/۹۷۰			Bio10															
										۱	-۰/۹۸	-۰/۹۷۸	-۰/۹۰۷	-۰/۵۰۹	-۰/۹۹۶	-۰/۹۷۱	-۰/۴۷۵	-۰/۰۵	-۰/۷۷۸	-۰/۷۷۵	-۰/۹۵۰			Bio11													
											۱	-۰/۷۷۹	-۰/۸۴۸	-۰/۸۲۶	-۰/۸۵۹	-۰/۰۹۲	-۰/۷۷۴	-۰/۸۴۵	-۰/۷۳۴	-۰/۶۴۱	-۰/۶۳۸	-۰/۷۲۴	-۰/۲۲۹					Bio12									
												۱	-۰/۹۸۵	-۰/۷۳۲	-۰/۷۹۱	-۰/۷۶۴	-۰/۱۰۱	-۰/۷۲۳	-۰/۷۸۴	-۰/۶۶۲	-۰/۵۶۶	-۰/۵۷۶	-۰/۱۳۴	-۰/۰۸۶					Bio13								
													۱	-۰/۱۷	-۰/۱۷۷	-۰/۱۱۷	-۰/۱۴۹	-۰/۱۴۸	-۰/۱۳۷	-۰/۱۸۱	-۰/۰۹۳	-۰/۱۵۹	-۰/۰۲۰۱	-۰/۱۵۹	-۰/۰۲۳	-۰/۳۲۹	-۰/۱۲۲				Bio14						
														۱	-۰/۰۳۰	-۰/۵۶۸	-۰/۵۱۶	-۰/۴۹۳	-۰/۴۸۱	-۰/۴۵۷	-۰/۴۶۵	-۰/۳۵۱	-۰/۴۹۹	-۰/۴۵۸	-۰/۴۵۸	-۰/۴۶۸	-۰/۴۶۵	-۰/۴۶۸	-۰/۷۵۷	-۰/۰۴۵			Bio15				
															۱	-۰/۵۴۸	-۰/۱۷۶	-۰/۹۹۴	-۰/۹۹۶	-۰/۷۶۲	-۰/۸۲۷	-۰/۸۰۳	-۰/۸۴۲	-۰/۰۹۸	-۰/۷۵۶	-۰/۸۲۴	-۰/۷۰۸	-۰/۶۲۴	-۰/۶۲۵	-۰/۷۶۴	-۰/۱۳۵			Bio16			
																۱	-۰/۸۸۵	-۰/۳۶۴	-۰/۳۰۴	-۰/۸۵۷	-۰/۸۹۳	-۰/۷۵۷	-۰/۸۱۸	-۰/۸۱۰	-۰/۷۷۲	-۰/۷۵۲	-۰/۸۲۹	-۰/۶۹۱	-۰/۶۵۳	-۰/۸۱۱	-۰/۵۹۸				Bio17		
																	۱	-۰/۹۵۵	-۰/۸۴۲	-۰/۳۴۲	-۰/۲۴۵	-۰/۸۰۵	-۰/۸۵۹	-۰/۸۱۷	-۰/۸۵۹	-۰/۸۷۸	-۰/۷۹۴	-۰/۰۲	-۰/۸۲	-۰/۸۶۵	-۰/۶۴۴	-۰/۶۴۸	-۰/۷۲۱	-۰/۷۴۱	-۰/۶۹۱		Bio18
																		۱	-۰/۸۲۲	-۰/۰۵۲	-۰/۱۷۲	-۰/۹۸۷	-۰/۹۹۳	-۰/۷۳۸	-۰/۸۱۵	-۰/۷۸۹	-۰/۰۷۱	-۰/۷۳۶	-۰/۰۷۴۵	-۰/۰۷۵	-۰/۰۳۲	-۰/۰۵۳	-۰/۰۵۰	-۰/۱۳۵	-۰/۱۳۵		Bio19

\*متغیرهای پرنگ در فرآیند مدلسازی مورد استفاده قرار گرفتند.

## فرآیند مدلسازی

مدل قلمرو (DOMAIN) به عنوان یک مدل پروفیل هنگام در دسترس بودن اطلاعات محدودی از حضور و پراکنش گونه می‌تواند عملکرد مناسبی داشته باشد. در این روش که در نرم‌افزار 32 DOMAIN اجرا می‌شود، با در نظر گرفتن شباهت متربک نقطه به نقطه، یک روش قوی و ساده برای مدلسازی پتانسیل پراکنش گونه‌های گیاهی و جانوری ایجاد می‌گردد. در مدل قلمرو، پیش‌بینی تناسب رویشگاه بر اساس شاخص عدم تشابه یا فاصله اکولوژیک گاور مدل از نرم‌افزار 32 DOMAIN استفاده گردید. رابطه (۱).

$$d_{AB} = \frac{1}{p} \sum_{k=1}^p \left( \frac{|A_k - B_k|}{\text{range}_k} \right)$$

d<sub>AB</sub>: فاصله آماری گاور بین نقاط A و B، A<sub>k</sub>: ارزش متغیر K در نقطه A (حضور معلوم)، B<sub>k</sub>: ارزش متغیر K در نقطه B (حضور نامعلوم)، P: تعداد متغیرهای محیطی و rangeK: قلمرو متغیر K بر روی نقشه (۷). تشابه دو نقطه با رابطه (۲) محاسبه می‌شود.

$$\text{Rabte (2)}: S_{AB} = 1 - d_{AB}$$

S<sub>AB</sub>: بیانگر مقدار تشابه بین نقاط A و B است که بین صفر تا یک تغییر می‌کند. هر چه عدد شاخص به یک نزدیکتر باشد نشان‌دهنده احتمال بیشتر رخداد گونه است. خروجی مدل یک نقشه رقومی است که هر سلول آن بیانگر حداکثر میزان تشابه و بیشگی‌های اکولوژیکی سلول با سلول‌هایی است که حضور گونه در آنها ثبت شده است (۸). به منظور اجرای مدل از الگوریتم ژنتیک (GARP) از جمله مدل‌های مبتنی بر نقاط حضور است و از مجموعه قواعد یا ارتباطات (اگر-سپس) برای پیش‌بینی مدل‌های پراکنش گرافایی گونه‌ها استفاده می‌کند (۳۹). ایده استفاده از الگوریتم ژنتیک برای مدلسازی پراکنش گونه‌ها شامل یک فرآیند تکراری از انتخاب قاعده‌ها، ارزیابی، تکرار و تلفیق یا حذف قواعد است (۳۳ و ۳۸).

در مدل مذکور از چهار قاعده Envelope، Range و Logit برای پیش‌بینی حضور گونه استفاده می‌شود. قاعده Envelope به محدوده‌ای از هر متغیر نیاز دارد که گونه در آن رخ داده است. به عنوان مثال، اگر دما بین ۲۲ و ۴۰ درجه سانتی‌گراد و بارندگی بین ۲۰۳ و ۱۳۲۰ میلی‌متر باشد آنگاه مدل حضور گونه را پیش‌بینی

حضور ثبت می‌کند. b: مثبت کاذب- تعداد رخدادی که در دنیای واقعی حضور ندارد ولی در مدل حضور ثبت شده (خطای نوع اول). c: منفی کاذب- تعداد رخدادی که در دنیای واقعی حضور دارد ولی در مدل غیاب پیش‌بینی شده است (خطای نوع دوم). d: منفی صحیح- تعداد رخدادی که در مدل و در دنیای واقعی به عنوان غیاب ثبت شده است، را نشان می‌دهد (۲۵).

جدول ۳: ماتریس خطای

		حضور گونه در دنیای واقعی	
		حضور (+)	عدم حضور (-)
حضور گونه در بذرمنش	حضور (+)	A	B
	عدم حضور (-)	C	D

ضریب کاپا یک شاخص آماری است که برای توافق بین داده‌های مشاهده‌ای و پیش‌بینی شده (مدل) محاسبه می‌گردد. حداقل مقدار کاپا برابر یک است که نشان‌دهنده توافق کامل بین مقادیر واقعی و پیش‌بینی شده است. کاپا به صورت رابطه (۳) تعریف می‌شود.

رابطه (۳):

$$K = \frac{\left( \frac{a+b}{n} \right) - \left[ \frac{(a+b)(a+c) + (c+d)(d+b)}{n^2} \right]}{1 - \left[ \frac{(a+c)(a+b) + (b+d)(c+d)}{n^2} \right]}$$

که در آن، a, b, c و d عناصر تشکیل‌دهنده در ماتریس خطای n تعداد نقاط ثبت شده است (۲۵). شاخص سطح زیر منحنی پلات‌های ROC از طریق رسم Sensitivity در برابر 1-Specificity است می‌آید. این سطح بیانگر توان تشخیص حضور و عدم حضور مدل است که مقادیر آن بین صفر و یک تغییر می‌کند و هر چه به عدد یک نزدیک‌تر شود بیانگر عملکرد بهتر مدل است (۴).

#### تحلیل حساسیت

برای تحلیل حساسیت مدل نسبت به متغیرهای محیطی ابتدا یک مدل کامل با تمامی متغیرهای محیطی انتخاب شده در جدول ۲ (جدول همبستگی) ایجاد شد. سپس به ترتیب متغیرها از مدل حذف شدند و با اجرای مدل، مقادیر شاخص AUC آن محاسبه گردید. آن دسته از

می‌کند. قاعده Range هر متغیر را بصورت مستقل در نظر گرفته و محدوده مجاز برای آن تعریف می‌شود در حالیکه قاعده Envelope به ترکیب متغیرها بصورت چندبعدی نگاه می‌کند و محدوده پیچیده‌تر و چندگانه از متغیرها را در نظر می‌گیرد (۳۲). قاعده Atomic از ارزش مشخصی از هر متغیر محیطی برای پیش‌بینی حضور گونه استفاده می‌کند. مثلاً اگر دما ۳۵ درجه سانتی گراد و ارتفاع ۳۰۰ متر بالاتر از سطح دریا باشد، آنگاه پیش‌بینی مدل حضور گونه است و بر خلاف دو قاعده قبلی از دامنه ارزش‌ها جهت پیش‌بینی استفاده نمی‌کند. قاعده Logit از مدل رگرسیون لجستیک به منظور پیش‌بینی احتمال رخداد گونه در امتداد گردایان محیطی استفاده می‌کند و در پایان، مجموعه قواعدی انتخاب می‌گردد که بالاترین عملکرد جهت برقراری ارتباط بین حضور گونه و مؤلفه‌های محیطی را نشان می‌دهد و به کل منطقه بسط داده می‌شود (۷). مدل الگوریتم ژنتیک در نرم‌افزار Open Modeler 1.1.0 اجرا شد (https://openmodeller.sourceforge.net) یک نقشه پراکنش پیوسته است که مقدار آن بین صفر و یک (حداکثر احتمال رخداد) تغییر می‌کند. در این فرآیند مدل‌سازی بر اساس آستانه‌ای که حداکثر مقدار کاپا اتفاق افتاده است (۰/۷۵) نقشه پیوسته پیش‌بینی پراکنش گونه-ای به نقشه فازی تبدیل شد. در ادامه، نقشه کاربری اراضی پس از مدل‌سازی مورد استفاده قرار گرفت به این صورت که فقط اراضی مرتعی انتخاب شده و سایر مناطق ماسک شدند.

#### ارزیابی مدل

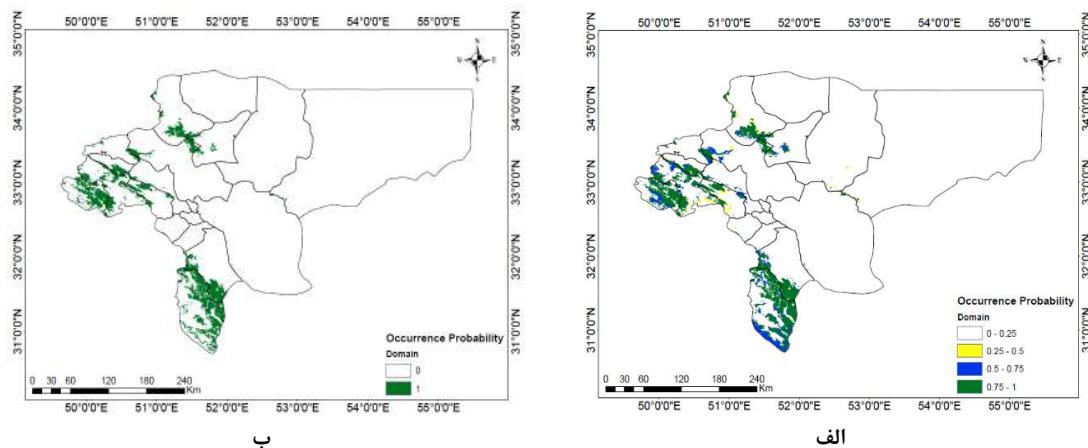
به منظور اعتبارسنجی و ارزیابی نقشه‌های رویشگاه بالقوه حاصل از دو مدل GARP و DOMAIN، از جدول Model Evaluation (MEP) استفاده شد (۳۹). در این نرم‌افزار شاخص‌های AUC (سطح زیر منحنی پلات ROC)، ضریب کاپا (Kappa) و صحت کلی (CCR) محاسبه شدند. ماتریس خطای بر اساس تعداد رخدادهای صحیح و اشتباہ حضور و عدم حضور در مقایسه مقادیر واقعی و مقادیر مدل ایجاد می‌شود و شامل چهار عنصر a, b, c و d است (جدول ۳). a: مثبت صحیح- نشان‌دهنده تعداد رخدادی است که هم در مدل و هم در واقعیت حضور دارند و مدل آن را به عنوان

همچنین در مرکز استان، بهویژه در منطقه کرکس واقع در بخش‌هایی از شهرستان‌های نطنز، کاشان و شاهین‌شهر و میمه، که تعداد کمتری از نقاط حضور در مدل‌سازی استفاده شده بود، نیز احتمال رخداد گونه را پیش‌بینی کرده است (شکل ۲). در مناطق شرق و شمال استان احتمال رخداد گونه وجود ندارد. رویشگاه مطلوب گونه (احتمال رخداد بیش از ۷۵ درصد) توسط مدل قلمرو، حدود ۱۰۱۸۷ کیلومترمربع برآورد شد که معادل ۹/۵۱ درصد از سطح استان است. این در حالی است که طبق نتایج حاصل از مدل الگوریتم ژنتیک، حدود ۶/۶ درصد از سطح استان- معادل ۷۰۶۹ کیلومترمربع- زیستگاه مطلوب پیش‌بینی شد (جدول ۴). نتایج مدل الگوریتم ژنتیک داد که احتمال رخداد گونه در مناطق شمال غرب، غرب و جنوب غرب استان شامل شهرستان‌های فردیونشهر، فریدن، سمیرم و ارتفاعات کاشان بسیار بالاست (شکل ۳).

متغیرهای محیطی که بیشترین افت را در عملکرد مدل (AUC) داشتند، به عنوان با اهمیت‌ترین متغیرهای محیطی انتخاب شدند.

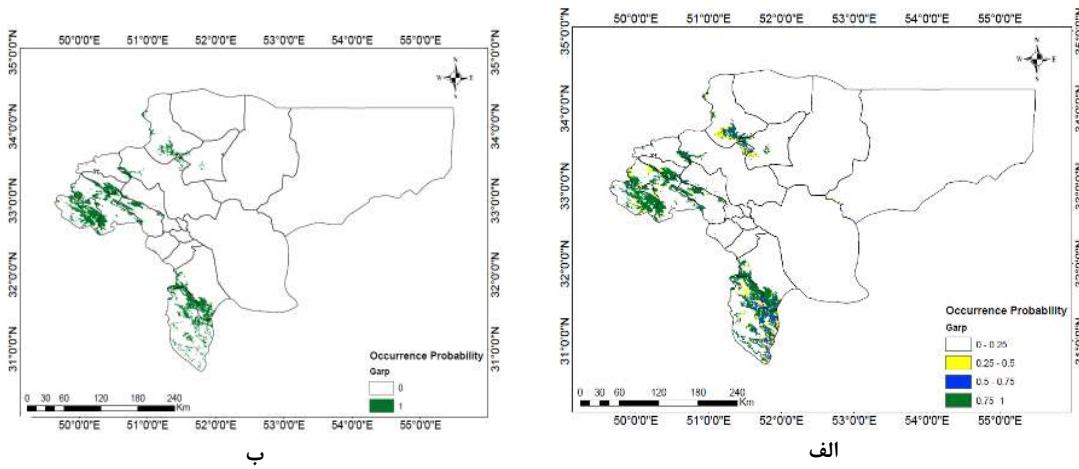
## نتایج

در هر دو مدل الگوریتم ژنتیک و قلمرو با توجه به تحلیل حساسیت به ترتیب متغیرهای ارتفاع از سطح دریا، بارندگی گرمترین فصل (Bio18)، میانگین دمای روزانه (Bio12)، ایزوتمالیتی (Bio2)، بارندگی سالانه (Bio3)، دمای متوسط سالانه (Bio1)، شبیب و دامنه تغییرات سالانه دما (Bio7) بیشترین اهمیت را در پراکنش گونه نشان دادند. نقشه پراکنش گونه با استفاده از مدل قلمرو نشان داد که بیشترین احتمال رخداد گونه در مناطق غرب و جنوب غربی، بهویژه در نواحی مرتفع مشاهده می‌شود. این مدل



شکل ۲: (الف) نقشه طبقه‌بندی شده و (ب) نقشه فازی پراکنش بالقوه گونه *Festuca ovina* تحت مدل DOMAIN در استان اصفهان

## تعیین آشیان اکولوژیک بالقوه علف بره (*Festuca ovina* L.) با مدل‌های الگوریتم ژنتیک.../بذرمنش و همکاران



شکل ۳: (الف) نقشه طبقه‌بندی شده و (ب) نقشه فازی پراکنش بالقوه گونه *Festuca ovina* تحت مدل GARP در استان اصفهان

نقشه حاصل از مدل قلمرو نشان داد (جدول ۴). نتایج مدل‌های الگوریتم ژنتیک و قلمرو نشان می‌دهد که به ترتیب ۲۹۶۶ و ۴۴۵۵ کیلومترمربع از شهرستان‌های فریدونشهر و سمیرم از بیشترین احتمال رخداد این گونه برخوردار است. به عبارتی، رویشگاه عمده گونه علف بره شهرستان‌های فریدونشهر و سمیرم است (جدول ۴).

در نقشه‌های پراکنش ارائه شده، مناطق سیز رنگ نشان‌دهنده احتمال رخداد بالای گونه و مناطق زرد رنگ نشان‌دهنده احتمال حضور پایین گونه در منطقه مورد مطالعه است (شکل ۳). مدل الگوریتم ژنتیک حضور گونه را بیشتر در شهرستان سمیرم، فریدونشهر و به صورت محدودی در حوالی شهرضا، خوانسار، فریدن و اندکی در ارتفاعات کاشان و نظری پیش‌بینی نمود که تطابق خوبی با

جدول ۴: مساحت تناسب طبقات رویشگاه حال حاضر با استفاده از مدل DOMAIN

فریدونشهر و سمیرم	استان اصفهان	فریدونشهر و سمیرم	استان اصفهان	طبقات (احتمال رخداد)	مساحت (Km <sup>2</sup> )	
					درصد مساحت هر طبقه	مساحت
۰/۶	۴۶/۹۳	۴۷	۵۰۲۴۱	۰ - ۰/۲۵		
۳/۴۴	۲۲/۳	۲۵۶	۲۳۸۶۳	۰/۲۵ - ۰/۵		
۳۵/۷۲	۲۱/۲۶	۲۶۴۴	۲۲۷۵۴	۰/۵ - ۰/۷۵		
۶۰/۲۳	۹/۵۱	۴۴۵۵	۱۰۱۸۷	۰/۷۵ - ۱		
		۷۴۰۲	۱۰۷۰۴۵	کل		
۳۰/۳۴	۸۹/۲۳	۲۲۴۶	۹۵۵۲۱	۰ - ۰/۲۵		
۱۵/۸۹	۲/۴	۱۱۷۶	۲۵۶۲	۰/۲۵ - ۰/۵		
۱۳/۷	۱/۷۷	۱۰۱۴	۱۸۹۳	۰/۵ - ۰/۷۵		
۴۰/۰۷	۶/۶	۲۹۶۶	۷۰۶۹	۰/۷۵ - ۱		
		۷۴۰۲	۱۰۷۰۴۵	کل		

نسبت به مدل قلمرو در پیش‌بینی رویشگاه بالقوه گونه نشان داد (جدول ۵).

علاوه بر ارزیابی مدل‌ها به صورت جداگانه در نرم‌افزار MEP، نقشه خروجی هر مدل به صورت مجزا با نقشه مرجع پوشش گیاهی اصفهان مقایسه گردید و نتیجه این مقایسه عملکرد خوب هر دو مدل و برتری مدل الگوریتم ژنتیک

جدول ۵: نتایج ارزیابی مدل‌های پراکنش گونه‌ای در پیش‌بینی رویشگاه بالقوه گونه مورد مطالعه اخذ شده از نرم افزار MEP

مدل پراکنش گونه‌ای						
مُؤلفه‌های ماتریس خطأ						
شاخص‌های ارزیابی						
AUC	Kappa	CCR	D	C	B	a
۰/۹۹	۰/۹۵	۰/۹۷	۵۷	۲۵	۳	۳۵
۰/۶۷	۰/۴۸	۰/۷۴	۵۸	۲۹	۲	۳۱

GARP  
DOMAIN

همکاران (۲۰۱۳) نیز رویشگاه مناسب این گونه را در محدوده ارتفاعی ۴۲۲۰-۹۰۰ متر بیان کردند. همچنین شکری و همکاران (۲۰۰۳)، میرحاجی و سندگل (۲۰۰۶) و باقری شبستری و همکاران (۲۰۱۰) محدوده ارتفاعی باقی را برای حضور این گونه گزارش نمودند. ۳۰۰۰-۴۳۲۲ متری را برای حضور این گونه گزارش نمودند. اثر ارتفاع بر پراکنش گونه‌های گیاهی از جمله گونه علف بره به صورت غیرمستقیم است، به نحوی که این عامل با تأثیر بر نوع و میزان بارش و درجه حرارت و در نتیجه نوع اقلیم، شرایط حضور و یا عدم حضور گونه‌ها را در عرصه‌های طبیعی تعیین می‌نماید (۱).

شیب به عنوان یکی دیگر از مهم‌ترین عوامل فیزیوگرافی مؤثر بر پراکنش گونه *F. ovina* بود. عامل شیب در ارتباط مستقیم با عمق خاک بوده که خود تأثیر بسزایی بر کیفیت رشد گونه‌های گیاهی دارد. نتایج نشان داد حداقل حضور گونه در شیب ۱۰-۳۵ درجه رخ می‌دهد. قربانی و همکاران (۲۰۱۳) بیان کردند این گونه در شیب‌های ۱۰-۱۵ درجه گسترش بالایی داشته و در شیب‌های بالاتر از ۴۰ درجه به صورت پراکنده دیده می‌شود. میرزایی موسی‌وند و همکاران (۲۰۱۷) بیان کردند که این گونه در شیب بالاتر از ۴۰ درصد و مناطق مرتفع سازگاری بهتری دارد. غفاری و همکاران (۲۰۱۸) نیز شیب را از عوامل مؤثر بر پراکنش *F. ovina* دانستند. همچنین ایشان بیان داشتند درصد شیب به‌ویژه در ارتفاعات نقش عمده‌ای در استقرار جوامع گیاهی دارد که با نتایج این پژوهش همخوانی دارد. با توجه به مطالعات انجام شده و نتایج حاصل از پژوهش حاضر می‌توان گفت که به‌دلیل اینکه این گونه از خوشخوارکی زیادی برای چرای دام به خصوص گاو و برخوردار است، در شیب‌های کم به‌شدت مورد چرا قرار گرفته و در مناطقی که شیب بشتری داشته و دسترسی به آنها محدود است، مشاهده می‌شود. بارندگی سالانه نیز از مهم‌ترین عوامل اقلیمی مؤثر بر پراکنش گونه علف بره است. این گونه در دامنه بارشی

## بحث و نتیجه‌گیری

در این مطالعه از مدل‌های قلمرو و الگوریتم ژنتیک به منظور مدلسازی پراکنش بالقوه گونه *F. ovina* استفاده شد. یافته‌های مطالعه حاضر نشان داد که الگوریتم ژنتیک نسبت به مدل دامنه کارایی بالاتری در پیش‌بینی رویشگاه بالقوه گونه دارد. مدلسازی پراکنش گونه‌های گیاهی و جانوری شناخته شده است (۴۵)، با این حال، عملکرد مدل‌ها بر اساس اندازه نمونه، منطقه مورد مطالعه و طیف اکولوژیک گونه هدف متفاوت است (۲۰، ۹، ۲۰، ۳۱ و ۴۲). با استفاده از مدل الگوریتم ژنتیک می‌توان برای پیش‌بینی پراکنش جغرافیایی این گونه و شاید سایر گراس‌های فصل سرد با صفات اکولوژیکی مشابه این گونه پرداخت. هرناندز و همکاران (۲۰۰۷) و تسور و همکاران (۲۰۰۶) نیز اظهار داشتند که در پیش‌بینی پراکنش برخی گونه‌های گیاهی، عملکرد مدل الگوریتم ژنتیک بهتر از مدل قلمرو است. اگرچه پیش‌بینی هر دو مدل از حضور گونه در سطح استان و شهرستان‌های فریدونشهر و سمیرم نسبتاً یکسان بود و با نقشه پراکنش فعلی گونه انتطبق داشت، ولی مدل قلمرو مساحت بیشتری را برای رویشگاه با احتمال رخداد بیش از ۷۵ درصد در این مناطق پیش‌بینی کرد که دلیل آن را می‌توان به منطق محسوباتی و تفاوت در ماهیت پیش‌بینی پراکنش گونه نسبت داد.

بر اساس نتایج به‌دست آمده از دو روش مدلسازی، متغیرهای ارتفاع و شیب جزو مهم‌ترین متغیرهای فیزیوگرافی و بارندگی سالانه، متوسط درجه حرارت سالانه و بارش گرمترین فصل نیز از مهم‌ترین متغیرهای اقلیمی مؤثر بر پراکنش گونه علف بره بودند. نقشه شایستگی رویشگاه حاصل از مدل‌های استفاده شده با بیشترین کارایی مبین این مطلب بود که شرایط مناسب رخداد گونه در محدوده ارتفاعی ۴۰۰۰-۲۵۰۰ متر پیش‌بینی شد. قربانی و

اینکه این گونه جزو گونه‌های خوشخوارک محسوب می‌شود، حذف شده و جای خود را به گونه‌های با خوشخوارکی کمتر داده است و یا خواهد داد. با آشکار ساختن عوامل اصلی مؤثر بر پراکنش گونه‌ها و مطالعه موردي گیاهان در کنار مطالعه جوامع گیاهی در منطقه از صرف هزینه‌های زیاد جلوگیری می‌شود و با شناخت روابط حاکم و تعمیم دادن نتایج به مناطق مشابه، متناسب با شرایط رویشگاهی و ترکیب گونه‌ای، راهکارهای مؤثری در راستای مدیریت حفاظت مراتع ارائه خواهد شد.

نتایج مطالعه حاضر نشان داد که ارتفاعات شمال، غرب و جنوب غربی استان اصفهان، پتانسیل بالایی جهت حضور گونه *F. ovina* دارند. این مناطق، مراتع شهرستان‌های سمیرم، فردیونشهر و تا حدودی شهرستان‌های فریدن و نظرنژ را شامل می‌شوند، در مقابل، بخش‌های مرکزی و شرق استان، کمترین پتانسیل را برای حضور گونه دارا هستند. در مناطق با پتانسیل بالای حضور گونه، پس از شناسایی عوامل تخریب و کنترل آنها، عملیات اصلاحی کاشت گونه علف بره به صورت کپه‌کاری، میان‌کاری و بذرپاشی می‌تواند انجام گیرد. بخش‌های زیادی از مراتع نیمه‌استویی استان اصفهان که به لحاظ اقلیمی می‌تواند جزو رویشگاه‌های علف بره باشد، در اثر تغییر کاربری اراضی و نیز چرای مفرط دام تخریب شده و به دیمزار تبدیل شده‌اند. از جمله مراتعی که در نتایج به عنوان رویشگاه مناسب علف بره تشخیص داده شد می‌توان به منطقه درختک سمیرم اشاره کرد که در نتیجه تخریب صورت گرفته، پراکنش این گونه محدود شده و به جای آن گیاهان خاردار از جنس‌های گیاهی *Cousinia*, *Cirsium* و برخی از جنس‌های متعلق به خانواده Lamiaceae غالب شده‌اند. گونه علف بره به عنوان گیاه پوششی و مقاوم می‌تواند در عملیات اصلاحی این مناطق کشت شود. البته پس از کاشت بذر گونه نیز فراهم بودن شرایط مناسب محیطی (ترسالی) و همچنین انجام قرق سه ساله به منظور استقرار این گونه در مراتع توصیه می‌گردد. همچنین نیاز است که شرایط ادافیکی مناسب رشد این گونه برای توصیه مناطق مناسب کاشت آن بررسی شود. به عنوان مثال، در شهرستان سمیرم با وجود مناسب بودن شرایط اقلیمی برای رشد این گونه، سازنده‌های مارنی موجود در منطقه، برای رشد آن مناسب نیست. یافته‌های مطالعه

۲۵۰-۳۰۰ میلی‌متر احتمال رخداد بالایی دارد که این میزان بارش در مراتع نیمه استویی کشور و استان از جمله شهرستان‌های فردیونشهر و سمیرم وجود دارد. همچنین این گونه در محدوده متوسط دمای سالانه ۶-۸ درجه سانتی‌گراد نیز بیشترین احتمال حضور را داشته اما در دمای متوسط سالانه بیش از ۱۵ درجه سانتی‌گراد حضور آن به شدت کاهش می‌یابد. این امر حاکم از تحمل بالای این گونه نسبت به دماهای پاییان است. چنانچه این گونه جزو گندمیان فصل سرد (Cool Season Grasses) به شمار می‌رود. در این رابطه برد (۱۹۷۳) گزارش کرد که محدوده دمایی مناسب رشد این گونه، ۴/۵-۳۸ درجه سانتی‌گراد است، ولی قادر است دمای ۲ درجه سانتی‌گراد را بدون اینکه اندام‌های هوایی آن بخ بزند تحمل نماید. وی همچنین گزارش نمود که دماهای ۳۸-۵۰ درجه سانتی‌گراد برای رشد آن محدودیت ایجاد می‌کنند.

در این مطالعه میزان بارش در فصول گرم سال (Bio 18) و میزان بارش در فصل خشک سال (Bio 14) نیز جزو متغیرهای تأثیرگذار بر حضور گونه علف بره بود. اگر چه مقدار عددی این متغیرها اندک است، اما مناطقی که در این فصول، بارش حتی به مقدار کمی داشته باشند از لحاظ محیطی و اقلیمی شرایط کاملاً متفاوتی از مناطقی دارند که در این فصول هیچگونه بارشی مشاهده نمی‌شود. بعارت دیگر حضور بارش در این فصول با حضور این گونه ارتباط و یا همبستگی دارد.

گیاهان در اکوسیستم‌های طبیعی در شرایطی ویژه مستقر می‌شوند و خود را با آن شرایط سازگار می‌کنند. به عبارت دیگر می‌توان گفت گونه‌ها طی گردایان‌های محیطی مختلفی پراکنش یافته‌اند که با شناخت این گردایان‌ها می‌توان مهم‌ترین عوامل تأثیرگذار بر پراکنش آن‌ها را تعیین نمود (۴۰). مطالعه حاضر در جهت بهبود دانش فعلی در مورد رویشگاه بالقوه گونه علف بره انجام شد. این گونه، بردباری نسبتاً وسیعی در مقابل عوامل مختلف بوم‌شناسخی دارد و به سبب ویژگی‌های سازگاری و نیز خوشخوارکی مطلوب می‌تواند گونه مناسبی جهت احیا و اصلاح مراتع و تولید علوفه در مناطق نیمه‌استویی باشد. نکته قابل توجه اینکه در این مطالعه رویشگاه گونه به لحاظ اقلیمی پیش‌بینی شد و در صورت مدیریت نامناسب چرا، بدليل

گویای آن است که توجه کافی به خصوصیات اکولوژیک این گونه با ارزش مرتضی در برنامه‌های اصلاح، احیاء و مدیریت صحیح رویشگاه‌های مرتضی امری اجتناب‌ناپذیر است.

## References

1. Ardakani, M.R., 2004. Ecology. Tehran University Press, 326 p. (In Persian).
2. Austin, M., 2007. Species distribution models and ecological theory: A critical assessment and some possible new approaches. Ecological Modelling, 200(1,2): 1-19.
3. Bagheri, H., A. Ghorbani, M. Zare Chahouki, A. Jafari & K. Sefidi, 2019. Modelling spatial distribution of *Limonium iranicum* and *Aeluropus littoralis* species by logistic regression method: a case study of Meighan playa rangelands. Journal of Rangeland, 13(4): 560-570. (In Persian)
4. Bagheri Shabestari, E.S., M. Sheidai, M. Assadi & T. Amini, 2010. Species relationships in *Festuca (Poaceae)* of Iran. Genetic Conservation, 9(38): 247-262.
5. Baldwin, R.A., 2009. Use of maximum entropy modeling in wildlife research. Entropy, 11: 854-866.
6. Beard James, B., 1972. Turf Grass: Science and Culture. Prentice-Hall Press. 658 p.
7. Behdarvand, N., M. Kaboli, R. Ebrahimpour & B. Jabbarian Amiri, 2012. Modeling the spatial distribution of wolf (*Canis lupus pallipes*) attacks on human using genetic algorithm (GARP) in Hamedan province. Applied Ecology, 1(1): 4-14. (In Persian)
8. Carpenter, G., A.N. Gillson & J. Witmer, 1993. DOMAIN: a flexible modelling procedure for mapping potential distributions of plants and animals. Biodiversity and Conservation, 2: 667-680.
9. Elith, J., C.H. Graham, R.P. Anderson, M. Dudík, S. Ferrier, A. Guisan, R.J. Hijmans, F. Huettmann, J.R. Leathwick, A. Lehmann & N. E. Zimmermann, 2006. Novel methods improve prediction of species' distributions from occurrence data. Ecography, 29(2): 129-151.
10. Esfanjani, J., M.A. Zare Chahouki, H. Rouhani, M.M. Esmaeili & B. Behmanesh, 2017. Suitability habitat modeling species using Ecological Niche Factor Analysis (ENFA) in rangelands Chaharbagh of Golestan province, Iran. Iranian Journal of Range and Desert Research, 23(3): 516-526. (In Persian)
11. Farashi, A. & Z. Karimian, 2021. Assessing climate change risks to the geographical distribution of grass species. Plant Signaling & Behavior, 16(7): 1913311.
12. Farzadmehr, J. & H. Sangooni, 2019. Determination of the potential habitat of medicinal species of wild borage (*Anchusa italicica* Retzius) in Khorasan Razavi province using generalized boosted model (GBM). Journal of Rangeland, 13(4): 621-631. (In Persian)
13. Feizi, M.T., Z. Jaberolansar, V. Alijani, K. Shirani & M. Khodagholi, 2013. The plan to know the ecological regions of the country, types of plants in Isfahan province. Research institute of forest and rangelands Press. 290 p. (In Persian)
14. Ghafari, S., A. Ghorbani, M. Moameri, R. Mostafazadeh & M. Bidarlord, 2018. Composition and structure of species along altitude gradient in Moghan-Sabalan rangelands, Iran. Journal of Mountain Science, 15(6): 1209-1228.
15. Ghahraman, A., 2000. Colored flora of Iran. Volume 1-22. Forest & Rangelands Research Institute. Press.Tehran. Iran
16. Ghasemi, Z., A. Ghorbani & A. Esmaeili Ouri, 2011. Preparation of distribution map of *Dactylis glomerata* L. using GIS and GPS in Khalkhal and Kowsar counties. Proceedings of Geomatics conference. 15-19 May. University of Mohaghegh Ardabili. Ardabil. (In Persian)
17. Ghehsareh Ardestani, E., M. Tarkesh, M. Bassiri & M.R. Vahabi, 2014. Potential habitat modelling for reintroduction of three native plant species in central Iran. Journal of Arid Land, 7(3): 381-390.
18. Ghorbani, A., J. Sharifi Niaragh, A.H. Kavianpour, B. Malekpour & F. Mirzaie Aghche Gheslagh, 2013. Investigation on ecological characteristics of *Festuca ovina* L. in south eastern rangelands of Sabalan. Rangeland and Desert Research, 20(2): 379-396. (In Persian)
19. Guisan, A. & N. Zimmermann., 2000. Predictive habitat distribution models in ecology. Ecological Modelling, 135(2-3): 147-186.
20. Hernandez, P.A., C.H. Graham, L.L. Master & D.L. Albert, 2006. The effect of sample size and species characteristics on performance of different species distribution modeling methods. Ecography, 29(5): 773-785.
21. Hijmans, R.J. & J. Elith, 2019. Spatial Distribution Models. <https://r-spatial.org/sdm/SDM.pdf>. Accessed date 10 June 2020.

22. Hu, W., Y. Wang, D. Zhang, W. Yu, G. Chen, T. Xie, Z. Liu, Z. Ma, J. Du, B. Chao, G. Lei & B. Chen, 2021. Mapping the potential of mangrove forest restoration based on species distribution models: A case study in China. *Science of the Total Environment*, 748: 142321.
23. Jafari, R. & L., Bakhshanandehmehr., 2016. Quantitative mapping and assessment of environmentally sensitive areas to desertification in central Iran. *Land Degradation & Development*, 27(2): 108-119.
24. Khanum, R., Mumtaz, A. S. & S. Kumar, 2013. Predicting impacts of climate change on medicinal asclepiads of Pakistan using Maxent modeling. *Acta Oecologica*, 49(1): 23-31.
25. Landis, J.R. & G.G. Koch, 1977. The Measurement of observer agreement for categorical data. *Biometric*, 33(2): 159-174.
26. Mandleberg, L., 2004. A comparison of the predictive abilities of four approaches for modelling the distribution of cetaceans. *Mres. Marine and Fisheries Science*. University of Aberdeen, UK.
27. Meng, J., M. Li, J. Guo, D. Zhao & J. Tao, 2021. Predicting suitable environments and potential occurrences for *Cinnamomum camphora* (Linn.) Presl. *Forests*, 12(8): 1126.
28. Mirhagi, T. & A.A. Sanadgol., 2006. Study the Growth degree days requirement for phenological stages of important Range species in Homand. *Rangeland and Desert Research*, 13(3): 212-221. (In Persian)
29. Mirzaei Mossivand, A., F. Keivan Behjou, P. Ramak & E. Zandi Esfahan, 2017. The study of some ecological factors affecting distribution of *Festuca ovina* in Rangelands, Lorestan Province-County Delfan. *Natural Ecosystems of Iran*, 7(4): 57-58. (In Persian)
30. Ogle, D., M. Stannard, P. Scheinost & L. St John, 2010. Plant guide for sheep fescue (*Festuca ovina*). USDA-Natural Resources Conservation Service. Idaho and Washington Plant Materials Program.
31. Pearson, R.G., W. Thuiller, M.B. Araújo, E. Martinez-Meyer, L. Brotons, C. McClean, L. Miles, P. Segurado, T.P. Dawson & D.C. Lees, 2006. Model-based uncertainty in species range prediction. *Biogeography*, 33(10): 1704-1711.
32. Petitpierre, B., O. Broennimann, C. Kueffer, C. Daehler & A. Guisan, 2017. Selecting predictors to maximize the transferability of species distribution models: Lessons from cross-continental plant invasions. *Global Ecol. Biogeogr.*, 26(3): 275–287.
33. Pouteau, R., J.Y. Meyer, R. Taputuarai & B. Stoll, 2011. A comparison between GARP model and SVM regression to predict invasive species potential distribution: the case of *Miconia calvescens* on Moorea, French Polynesia. *ISRSE*, Australia (Sydney). 4 pp.
34. Saboohi, R., 2022. Evaluating the effects of climate change on the important habitat of Rangeland species in Isfahan province based on the climate prediction model. Research Institute of Forests and Rangeland of the country, 125p. (In Persian)
35. Saqib, Z., R.N. Malik & S.Z. Husain, 2006. Modelling potential distribution of *Taxus wallichiana* in Palas Valley, Pakistan. *Pakistan Jurnal of Botany*, 38(3): 539-542.
36. Shahnaseri, G., M. Malekian & K. Pourmoghadam, 2023. Habitat loss of the chestnut-leaved oak (*Quercus castaneifolia*) in the Hyrcanian forests of Iran: impacts of anthropogenic factors on forest thinning and degradation. *Global Ecology and Conservation*, 46:12e02600.
37. Shokri, M., M.A. Bahmanyar & M.R. Tatian, 2003. An ecological investigation of vegetation cover in estival rangelands of Hezarjarib (Behshahr). *Natural Resources*, 56: 131-142. (In Persian)
38. Stockwell, D., 1999. The GARP modelling system: problems and solutions to automated spatial prediction. *International Journal of Geographical Information Science*, 13(2): 143-158.
39. Tarkesh, M. & G. Jetschke, 2012. Comparison of six correlative models in predictive vegetation mapping on a local scale. *Environmental and Ecological Statistics*, 19: 437-457.
40. Tarnian, F., H. Azarnivand, R. Yazdanparast, M. Zare Chahouki, M. Jafari & S. Kumar, 2017. Identifying potential habitats and influencing variables on *Daphne mucronata* Royle distribution. *Journal of Rangeland*, 11(2): 179-193. (In Persian)
41. Teimoori Asl, S., A. Naghipour, M. Ashrafzadeh & M. Haidarian, 2020. Predicting the impact of climate change on potential habitats of *Stipa hohenackeriana* Trin & Rupr in Central Zagros. *Journal of Rangeland*, 14(3): 526-538. (In Persian)
42. Tsoar, A., O. Allouche, O. Steinitz, D. Rotem & R. Kadmon, 2007. A comparative evaluation of presence-only methods for modelling species distribution. *Diversity and Distributions*, 13(4): 397-405.
43. Zhang, K., Y. Zhang, D. Jia & J. Tao, 2020. Species distribution modeling of *Sassafras tzumu* and implications for forest management. *Sustainability*, 12(10): 4132.